## چکیده

زمینه و هدف: در سال های اخیر تولید سلول های کبدی از سلول های بنـــیادی منبع جـــدیدی را برای سلول-درمانی با استفاده از هپاتوسیت ها، به جای پیوند کبد فراهم آورده است. از آنجا که دساتورازها نقش مهمی درفرایندهای متابولیکی کبد دارند، ممکن است در فرایند تمایز سلولی به سمت کبد نیز موثر باشند. بر این اساس، در این مطالعه تغییر بیان ژن استئاروییل کوآنزیم آدساچوراز (SCD1) و به دنبال آن تغییر ترکیب اسیدهای چرب طی تمایز سلول های بنیادی پرتوان القایی (iPSc) انسانی به رده هپاتوسیتی بررسی شد. روش ها: طی تمایز سلول های iPS9 القای تمایز کبدی با شناسایی مارکرهای ژنی به روش TT-PCR تایید شد، مارکر های اختصاصی کبدی شامل اوره به روش فتومتریک، آلبومین به روش الایزا و آلفا-فتوپروتئین به روش ایمونوکمی لومینسانس اندازه گیری شد. میزان بیان SCD1 با تکنیک flowcytometry و ایندکس فعالیت روش ایمونوکمی لومینسانس اندازه گیری شد. میزان بیان SCD1 با تکنیک flowcytometry و ایندکس فعالیت

یافته ها: طی تمایز کبدی افزایش چشمگیری در تولید بیومارکرهای کبدی شامل آلفا فتوپروتئین، آلبومین و یافته ها: طی تمایز کبدی افزایش چشمگیری در تولید بیومارکرهای کبدی شامل آلفا فتوپروتئین، آلبومین و میزان اوره مشاهده شد (p<0.001). میزان بیان (SCD1(p<0.01) به دست آمده در مرحله پرتوانی بیشترین و در مرحله القا اندودرمی کمترین ایندکس فعالیت (SCD1(p<0.01) به دست آمده در مرحله پرتوانی بیشترین و در مرحله القا اندودرمی کمترین مقدار را داشتند.

نتیجه گیری: بیان و فعالیت ژن SCD1 به همراه ترکیب اسیدهای چرب طی تمایز کبدی iPSc انسانی همزمان با مراحل چهارگانه تمایز تغییر چشمگیری داشت.

كلمات كليدى: استئاروييل كوا-دساچوراز، سلول هاى بنيادى پرتوان انسانى، تمايز كبدى

Stearoyl -co A desaturase (SCD1) gene expression and cellular fatty acid composition

during differentiation of human iPS cells into hepatocytes

Yaghoub Rahimi<sup>1</sup>, Masoud Darabi<sup>1</sup> and Hojjatollah Nozad Charoudeh<sup>2</sup>

<sup>1</sup>Department of biochemistry and clinical laboratories, school of medicine, <sup>2</sup> stem cell research center

tabriz university of medical sciences.

Abstract

**AIM:** Determination of Stearoyl –co A desaturase (SCD1) gene expression and cellular fatty

acid composition during differentiation of human iPS cells into hepatocytes.

**Background:** In recent years the production of liver cells from stem cell for cell -therapy using

hepatocytes, providing a new source substitute of liver transplant. Since desaturases have an

important role in liver metabolic processes, therefore it may also be effective in the process of

hepatic differentiation of pluripotent stem cells. Accordingly, In this study changes in gene

expression for Stearoyl-co A desaturase (SCD1) and at the same time determination of change

the composition of fatty acids, During the hepatic differentiation of human pluripotent stem cells.

**Methods:** During the hepatic differentiation of hiPS cell, changes in gene expression determined

using RT-PCR. Hepatocytes-specific markers including: Urea, Alb and AFP measured using

photometric, ELISA and immuno-chemiluminescence method, respectively. SCD1 expression

measured by flowcytometry technique and SCD1 activity index is the ratio of oleic acid to

stearic acid, was examined by gas-liquid chromatography.

**Results:** a significant increase in the hepatic differentiation of hepatic biomarkers include AFP,

albumin and urea were observed during the hepatic differentiation (p<0.001). Highest value of

SCD1 expression (p<0.01) obtained with flowcytometry and the SCD1 activity index in

stemness step and the lowest amount in the endoderm induction were observed.

Conclusion: gene expression and activity of stearoyl—co A desaturase1 associated with fatty acid

composition of the four stages of hepatic differentiation of hiPS cells has changed dramatically.

**Keywords:** Stearoyl–co A desaturase, hiPSc, hepatic differentiation